

```
*****  
*****
```

```
**** Poiminta - 2. vaihe
```

```
*****
```

```
*****
```

```
*****  
*****
```

```
**** Asetetaan satunnaislukugeneraattorin siemenluku koneajasta
```

```
*****
```

```
global system_time = clock(`c(current_date)`c(current_time)`, "DMYhms")  
global seed=substr("$system_time",1,10)
```

```
set seed $seed
```

```
**** 1. Koeryhmän poiminta
```

```
*****  
*****
```

```
** Ladataan aineisto
```

```
use "${INFOLDER}\full_targetgroup.dta", clear
```

```
** Stratifioitu otanta
```

```
count
```

```
global n1p=100*(31000`r(N)')
```

```
sample ${n1p}, by(stratacell)
```

```
save "${INFOLDER}\treatment_group_initial.dta", replace
```

```
global NT_initial = _N
```

** Stratifioitu otanta voi antaa pyöristyvirheestä johtuen hieman ryhmän tavoitekoosta poikkeavan havaintomääärän.

** Täsmäys tehdään tarvittaessa suoralla otannalla.

** Jos stratifioitu otanta antoi täsmälleen 31000 havaintoa, tallennetaan taulu

```
if $NT_initial == 31000 {
```

```
    gen treatment=1
```

```
    save "${OUTFOLDER}\treatment_group.dta", replace
```

```
}
```

** Jos stratifioitu otanta antoi yli 31000 havaintoa, poistetaan havaintoja suoralla otannalla

```
if $NT_initial > 31000 & $NT_initial!=. {
```

```
    sample 31000, count
```

```
    gen treatment=1
```

```
    save "${OUTFOLDER}\treatment_group.dta", replace
```

```
}
```

** Jos stratifioitu otanta antoi alle 31000 havaintoa, täydennetään havaintoja suoralla otannalla jäljelle jääneistä yrityksistä

```
if $NT_initial < 31000 {
```

```
    use "${INFOLDER}\full_targetgroup.dta", clear
```

```
    merge 1:1 ${id} using "${INFOLDER}\treatment_group_initial.dta", gen(match) keep(match master)
```

```
drop if match==3  
drop match  
  
global Nadd1 = 31000 - $NT_initial  
sample $Nadd1 , count  
  
append using "${INFOLDER}\treatment_group_initial.dta"  
  
gen treatment=1  
save "${OUTFOLDER}\treatment_group.dta", replace  
  
}
```

* Poistetaan väliaikainen tiedosto

```
erase "${INFOLDER}\treatment_group_initial.dta"
```

***** 2. Kontrolliryhmän muodostavat jäljelle jäävät yritykset

```
*****
```

** Ladataan aineisto

```
use "${INFOLDER}\full_targetgroup.dta", clear
```

** Poistetaan koeryhmään poimitut ja tallenetaan taulu

```
merge 1:1 ${id} using "${OUTFOLDER}\treatment_group.dta", nogen keep(match master)  
keepusing(treatment)
```

```
drop if treatment==1
```

```
drop treatment
```

```
gen treatment=0  
save "${OUTFOLDER}\control_group.dta", replace
```